



江海海 博士

● **教育和工作背景:**

2011 年，西南大学，动物医学专业，农学学士；

2014 年，中国农业科学院研究生院，预防兽医学专业，农学硕士；

2019 年，中国农业大学，预防兽医学专业，农学博士；

2020/11—至今，南昌大学基础医学院，讲师。

● **研究兴趣、领域:**

主要利用生物化学、细胞生物学、微生物学和结构生物学（冷冻电镜和 X 射线晶体学）相关手段，研究与人类健康息息相关的病原微生物的关键蛋白的结构与功能，并开展抗感染药物的研发。近年来在 **Nature Microbiology**、**mBio**、**Journal of Molecular Biology**、**Journal of Virology**、**Frontiers in Chemistry** 等 SCI 杂志上发表论文 9 篇，其中第一作者或通讯作者（含共同）4 篇。

● **主要成果（#第一作者，*通讯作者）:**

[1] **Jiang H#**, Peng W#, Qi J, Chai Y, Song H, Bi Y, Rijal P, Wang H, Oladajo BO, Liu J, Shi Y, Gao GF*, Townsend AR*, Wu Y. Structure-Based Modification of an Anti-neuraminidase Human Antibody Restores Protection Efficacy against the Drifted Influenza Virus. *mBio*. 2020;11(5):e02315-20.

[2] Huang KA#*, Rijal P#, **Jiang H#**, Wang B#, Schimanski L, Dong T, Liu YM, Chang P, Iqbal M, Wang MC, Chen Z, Song R, Huang CC, Yang JH, Qi J, Lin TY, Li A, Powell TJ, Jan JT, Ma C, Gao GF*, Shi Y*, Townsend AR*. Structure-function analysis of neutralizing antibodies to H7N9 influenza from naturally infected humans. *Nat Microbiol*. 2019;4(2):306-315.

[3] Li J, Lin C, Zhou X, Zhong F, Zeng P, McCormick PJ, **Jiang H***, Zhang J*. Structural Basis of Main Proteases of Coronavirus Bound to Drug Candidate PF-07304814. *J Mol Biol*. 2022;434(16):167706.

[4] **Jiang H***, Yang P, Zhang J*. Potential Inhibitors Targeting Papain-Like Protease of SARS-CoV-2: Two Birds With One Stone. *Front Chem.* 2022;10:822785.

[5] Li J, Lin C, Zhou X, Zhong F, Zeng P, Yang Y, Zhang Y, Yu B, Fan X, McCormick PJ, Fu R, Fu Y, **Jiang H**, Zhang J*. Structural Basis of the Main Proteases of Coronavirus Bound to Drug Candidate PF-07321332. *J Virol.* 2022;96(8):e0201321.

[6] Gao H, Zhang Y, **Jiang H**, Hu X, Zhang Y, Zhou X, Zhong F, Lin C, Li J*, Luo J*, Zhang J*. Crystal structures of human coronavirus NL63 main protease at different pH values. *Acta Crystallogr F Struct Biol Commun.* 2021;77(Pt 10):348-355.

● **联系方式:**

E-mail: haihaijiang2020@ncu.edu.cn